**附件2：**

**新方法和新技术走进校园和大豆遗传育种**

**—《第30届全国大豆科研生产研讨会》****基因挖掘方法与软件培训班**

我国是大豆起源地，具有丰富的种质资源。然而，我国大豆进口量大。为保障我国大豆种业粮食安全，国家出台了一系列相关政策，同行们利用新技术和新方法培育了大量的新品种。不过，突破性新品种需要利用具有育种利用价值的优异新基因，而常用的基因挖掘方法检测的显著位点常常不多，利用近缘物种优异基因相对较少。十分荣幸，华中农业大学章元明教授团队近期提出了具有原创性的关联分析、连锁分析和集团分离分析新方法，并研制了相应的软件包。应用研究发现，这些方法可最大化地挖掘复杂性状基因，即使分析旧数据也能获得创新性结果。它们解析了海岛棉纤维品质的遗传基础，鉴定了水稻抗虫媒病毒病新位点、油菜转录因子上游调控基因、大豆种子油份和耐盐新位点以及菊花重要性状的大量新基因，提供了苹果产量与品质协同育种的新结果，系统剖析了河南省小麦育种进展的遗传基础。

为提高大家的基因挖掘水平，助力大豆遗传、分子生物学和育种的科技创新，找到大豆产量、品质、抗性和适应性的优异新基因，在第30届全国大豆科研生产研讨会期间举办基因挖掘方法与软件培训班。

**培训班亮点：**

1. 章元明教授亲临授课，系统讲解新方法的基本思想；
2. 手把手教学，从软件安装到使用，全程指导；
3. 建立微信群，随时解决你在使用过程中遇到的问题。

**时间：**2024年8月23日晚

**地点：**西北农林科技大学南校区农科楼

**报名方式：**扫描二维码，培训班不收取任何费，先到先得！

联系人：陈莹 13188882743（微信同号）

