

# 第八屆全國動植物數量遺傳學 學術研討會

## 特邀主題報告人

報告人	單位	報告題目
蓋鈞鎰院士	南京農業大學	設計育種策略
吳常信院士	中國農業大學	動物分子數量遺傳學思考
朱軍教授	浙江大學	組學關聯分析新方法及其在複雜性狀基因解析中的應用
張勤教授	中國農業大學	動物全基因組選擇研究進展
吳為人教授	福建農林大學	基於BSA的快速精細定位QTG新方法
徐辰武教授	揚州大學	作物雜種表型的多組學預測方法與應用
章元明教授	華中農業大學	多位點關聯分析新方法及其應用與注意事項
李慧慧研究員	中國農業科學院	利用EigenGWAS和EnvGWAS挖掘種質資源優異等位變異
魯非研究員	中國科學院	小麥遺傳多樣性的統計基因組解析
田豐教授	中國農業大學	玉米適應性進化的分子遺傳基礎
王國英研究員	中國農業科學院	玉米全基因組選擇技術研發與應用
寧海龍教授	東北農業大學	大豆四向雜交RIL群體的遺傳圖譜構建及產量和品質性狀QTL定位
嚴建兵教授	華中農業大學	玉米複雜數量性狀的遺傳解析
劉劍春教授	中國農業大學	縱向數據遺傳統計分析
管榮展教授	南京農業大學	一個油菜硫苷含量微效基因的研究
盧艷麗教授	四川農業大學	基因組學在玉米抗逆性狀遺傳解析中的應用
潘玉春教授	上海交通大學	應用偏最小二乘法探查群體間的遺傳差異

## 學術委員會

- 主席：**蓋鈞鎰院士（南京農大）  
吳常信院士（中國農大）
- 副主席：**朱軍教授（浙江大學）  
張勤教授（中國農大）  
王建康研究員（中國農科院作科所）
- 委員：**吳為人教授（福建農林大學）  
徐辰武教授（揚州大學）  
章元明教授（華中農大）  
管榮展教授（南京農大）  
王起山教授（上海交大）  
潘光堂教授（四川農大）  
李慧慧研究員（中國農科院作科所）  
鄭軍研究員（中國農科院作科所）

**會議地點：**北京友誼賓館  
**會議時間：**2019年8月26日~28日

8月19~24日舉辦為期6天的“基因定位與全基因組選擇”培訓班（通知另發）。內容包括：“數量遺傳基本理論”、“數量性狀基因定位”、“全基因組選擇育種方法”等；主講人：王建康研究員，李慧慧研究員，Jose Crossa 博士（國際玉米小麥改良中心傑出科學家）。