

第八届全国动植物数量遗传学学术研讨会

(第一轮通知)

为展现组学时代我国数量遗传学研究的最新成果,探讨生命科学大数据对数量遗传学研究以及动植物育种的影响,促进科研人员和研究生之间的交流与合作,由中国作物学会分子育种分会主办的第八届全国动植物数量遗传学学术研讨会定于2019年8月26~28日在北京友谊宾馆召开。会议将邀请知名数量遗传学家以及数量遗传学新秀作大会主题报告,并从提交的论文摘要中择优邀请部分学者和研究生作大会或分会报告。

此次会议召开之前,将于8月19~24日举办为期6天的“基因定位与全基因组选择”培训班(通知另发),内容包括“数量遗传基本理论”、“数量性状基因定位”、“全基因组选择育种方法”等三部分,分别由中国农业科学院王建康研究员、李慧慧研究员、国际玉米小麦改良中心杰出科学家 Jose Crossa 博士主讲。

本次会议的主题为“组学驱动下的数量遗传学”,欢迎广大同行和研究生踊跃参加。现将有关事宜通知如下:

一、会议主题:组学驱动下的数量遗传学

二、会议学术委员会

主席:盖钧镒院士(南京农大)、吴常信院士(中国农大)

副主席:朱军教授(浙江大学)、张勤教授(中国农大)、王建康研究员(中国农科院作科所)

委员:吴为人教授(福建农林大学)、徐辰武教授(扬州大学)、章元明教授(华中农大)、管荣展教授(南京农大)、王起山教授(上海交大)、潘光堂教授(四川农大)、李慧慧研究员(中国农科院作科所)、郑军研究员(中国农科院作科所)

三、会议网站

网站地址:<http://qgc2019.isbreeding.net>。会议通知下载、会议注册和摘要提交等事项均通过该网站完成。



四、论文摘要提交和 The Crop Journal 专辑出版计划

论文摘要字数控制在 A4 纸一个页面，包含题目、作者姓名、工作单位、地址、邮编、电子信箱，以及摘要内容。请用 Word 格式文件通过会议网站提交。征文截止日期是 7 月 15 日，过期不再受理。收录的论文摘要将汇编成册。

优秀会议报告和论文摘要，会将邀请作者准备全文，将于 2020 年 1 月或 3 月在 The Crop Journal 期刊（2017 年度影响因子为 2.658）出版一期会议专辑，计划收录 2-3 篇综述文章和 8-10 篇研究文章，专辑名称初步定为“Quantitative Genetics in China”。

五、会议注册费

7 月 15 日之前注册缴费：普通参会代表 1500 元/人，中国作物学会会员代表 1200 元/人，学生代表（含研究生，凭学生证）1000 元/人。

7 月 15 日~8 月 15 日注册缴费：普通参会代表 1800 元/人，中国作物学会会员代表 1500 元/人，学生代表（含研究生，凭学生证）1200 元/人。

8 月 15 日之后及现场注册缴费：普通参会代表 2000 元/人，中国作物学会会员代表 1800 元/人，学生代表（含研究生，凭学生证）1500 元/人。

完成网上注册但未完成在线缴费的参会代表，到会后按现场注册收取会议费；已注册并缴费但未能参会者，注册费不予退回，可由他人代替参会；会务组收到注册费后视为有效注册，缴费时间以汇款或转账时间为准。

注册费通过转账方式缴纳。收款单位：中国作物学会；开户银行：交通银行北京农科院支行；账号：110060435018001069607；附言：数量遗传会+代表姓名（如多位参会代表一起缴纳，请注明所有代表姓名）。

五、会议住宿

统一安排住宿，住宿费和往返交通费自理。会议代表可通过会议网站选择住宿标准以及是否愿意合住，友谊宾馆敬宾楼标准间 550 元/间/天，友谊宾馆迎宾楼标准间 650 元/间/天。

六、会议赞助

欢迎有关企业予以赞助，会议将为赞助企业提供免注册费参会指标 1-2 人，



会议手册和摘要集为赞助企业提供 1 个宣传页,或在时间允许的情况下为赞助企业安排大会发言。具体事宜请与王建康老师联系。

七、会议时间和报到地点

会议时间: 8 月 26 日下午 14:00~22:00 报到, 27 日全天和 28 日上午学术交流, 28 日下午离会。

报到地点: 友谊宾馆敬宾楼大堂。

八、会务组联系人和联系方式

一般会务联系人: 钱亚红 (qianyahong@caas.cn, 13522624088)

会议日程联系人: 李慧慧 (lihuihui@caas.cn, 13911715639)

会议资料联系人: 张鲁燕 (zhangluyan@caas.cn, 13810425650)

会场准备联系人: 孟磊 (menglei@caas.cn, 13683254087)

赞助或其他事宜: 王建康 (wangjiankang@caas.cn, 13718971708)

邮编: 100081

地址: 北京市中关村南大街 12 号 中国农业科学院作物科学研究所

固定电话: 010 82106038、82108579、82105846

九、注意事项

请参会代表务必于 7 月 31 日之前通过网站 <http://qgc2019.isbreeding.net> 注册, 以便妥善安排住宿。未按时注册将不能保证住宿的安排。友谊宾馆位于地铁 4 号线魏公村站与人民大学站之间, 网址: <http://www.bjfriendshiphotel.com>。会议不安排接送站, 请大家自行选乘公共交通或出租车。

主办单位: 中国作物学会 分子育种分会 (代章)

中国遗传学会 数量遗传专业委员会 (筹)

承办单位: 中国农业科学院 作物科学研究所

2019 年 4 月 15 日



附件 1：会议特邀报告人和报告题目

盖钧镒院士（南京农业大学），“设计育种策略”

吴常信院士（中国农业大学），“动物分子数量遗传学思考”

朱军教授（浙江大学），“组学关联分析新方法及其在复杂性状基因解析中的应用”

张勤教授（中国农业大学），“动物全基因组选择研究进展”

吴为人教授（福建农林大学），“基于 BSA 的快速精细定位 QTG 新方法”

徐辰武教授（扬州大学），“作物杂种表型的多组学预测方法与应用”

章元明教授（华中农业大学），“多位点关联分析新方法及其应用与注意问题”

李慧慧研究员（中国农业科学院），“利用 EigenGWAS 和 EnvGWAS 挖掘种质资源优异等位变异”

鲁非研究员（中国科学院遗传发育研究所），“小麦遗传多样性的统计基因组解析”

田丰教授（中国农业大学），“玉米适应性进化的分子遗传基础”

王国英研究员（中国农业科学院），“玉米全基因组选择技术研发与应用”

宁海龙教授（东北农业大学），“大豆四向杂交 RIL 群体的遗传图谱构建及产量和品质性状 QTL 定位”

严建兵教授（华中农业大学），“玉米复杂数量性状的遗传解析”

刘剑锋教授（中国农业大学），“纵向数据遗传统计分析”

管荣展教授（南京农业大学），“一个油菜硫苷含量微效基因的研究”

卢艳丽教授（四川农业大学），“基因组学在玉米抗逆性状遗传解析中的应用”

潘玉春教授（上海交通大学），“应用偏最小二乘法探查群体间的遗传差异”

附件 2：会议报到和日程安排

报到时间：8 月 26 日下午 14:00~22:00，8 月 27 日上午 8:00~12:00

报到地点：友谊宾馆 2 号敬宾楼大堂

会议时间：8 月 27 日全天，8 月 28 日上午

会议地点：友谊宾馆 友谊宫聚贤厅

8 月 27 日会议日程：

8:30~9:00	开幕式
9:00~10:00	30 分钟邀请报告
10:00~10:30	集体合影和茶歇
10:30~12:00	30 分钟邀请报告
12:00~14:00	自助午餐和午休
14:00~15:40	20 分钟邀请报告
15:40~16:00	茶歇
16:00~17:40	20 分钟邀请报告
18:00~20:00	招待晚餐

8 月 28 日会议日程：

8:00~9:45	15 分钟会议报告
9:45~10:15	茶歇
10:15~12:00	15 分钟会议报告
12:00~14:00	自助午餐
14:00	离会